

Syndrom CHARGE, OMIM 214800

CHARGE syndrom je velmi variabilní autozomálně dominantní syndrom spojený s četnými malformacemi, které postihují několik orgánových systémů. Klinicky se částečně překrývá s Kallmannovým syndromem.

Asi 2/3 pacientů s CHARGE syndromem mají mutaci v genu *CHD7* (chromodomain helicase DNA-binding protein) na dlouhém raménku 8. chromozomu. Jedná se převážně o heterozygotní mutace typu nonsense nebo frameshift, většinou jsou unikátní. Žádná korelace genotyp-fenotyp nebyla dosud pozorována.

Název syndromu je akronym, v němž se skrývá výčet nejčastějších znaků:

C-coloboma (oční kolobom), H-heart (defekty srdce), A-atresia (atrémie choan), R-retardace (růstu a vývoje), G-genital (anomálie genitálu), E-ear (anomálie uší spojené s hluchotou).

Protein kódovaný genem *CHD7*, vyskytující se v nukleoplasmě a v jadérku, se účastní regulace transkripce, protože ovlivňuje organizaci chromatinu.

Gen tvoří 38 exonů, první exon a část exonů 2 a 38 se nepřekládá.

Syndrom CHARGE se vyskytuje s prevalencí přibližně 1 na 10 000-15 000 novorozenech dětí. Dědičnost je autozomálně dominantní, s různou penetrancí. Naprostá většina mutací je *de novo*, nicméně byl popsán i přenos z rodiče s mírnými příznaky na potomka; riziko rekurence se blíží 1%. Literatura potvrzuje riziko germinálního mozaicismu.

Indikační kritéria

Diagnostická kritéria jsou jasně stanovena, ačkoli se u pacientů nevyskytují vždy všechny typické malformace a naopak někteří z pacientů s typickým fenotypem nemají mutaci v genu *CHD7*.

Podstatná je zejména přítomnost triády kolobom- atrémie choan- abnormální semicirkulární kanálky.

Další znaky zahrnují rombencefalickou dysfunkci, hypothalamo-hypofyzární dysfunkci (včetně deficiencie růstového hormonu a gonadotropinu), abnormální střední nebo zevní ucho, malformace mediastinálních orgánů (srdce, jícen), mentální retardace.

(Verloes, A., American Journal of Medical Genetics 133A:306–308 (2005))

Analytické metody

Metoda	Vyšetřované markery/oblasti:
Vyšetření metodou sekvenování dle Sangera	Mutace v kódující oblasti genu <i>CHD7</i>
Vyšetření pomocí SALSA MLPA kitu P201	Delece a duplikace u vybraných exonů genu <i>CHD7</i>



FN MOTOL

Fakultní nemocnice v Motole

V Úvalu 84, 150 06 Praha 5

Laboratoře ÚBLG

Ústav biologie a lékařské genetiky 2. LF UK a FN Motol

Přednosta: Prof. MUDr. Milan Macek, DrSc.

<http://www.fnmotol.cz/ublg/>

Ústav biologie a lékařské genetiky

Doby odezvy vzorků (STATIM pouze po dohodě s klinickým genetikem)*

Metoda	Doba odezvy (pracovní dny):	
	Běžně	Statim
Vyšetření genu <i>CHD7</i> metodou sekvenování dle Sangera a MLPA vyšetření <i>CHD7</i> genu	6 měsíců	*

Kontaktní informace

Oddělení lékařské
molekulární
genetiky
4.patro G

ÚBLG 2. LF UK a
FN Motol
V Úvalu 84, Praha 5,
150 06

Centrální příjem
vzorků:
Po – Pá
7:30h – 14.30h

Požadavky na vzorek

Krev – 5 – 10 ml do K₃EDTA

Izolovaná DNA - 50- 300 ng/μl a více v množství
minimálně 200 μl

Vzorek označit minimálně jménem, příjmením a
rodným číslem pacienta a datem odběru vzorku.
DNA plodu označit jednoznačně jako DNA plodu.

Odkazy

Transport vzorku musí respektovat maximální dobu stability vzorku - viz Laboratorní příručka ÚBLG. Transport vzorku poštou musí vyhovět požadavkům České pošty.